

Humana papillomvirus (HPV) DNA typbestämning

Bakgrund

De flesta anogenitala cancrar, främst cervixcancer, men även vissa munhåletumörer, främst tonsillcancer, orsakas av HPV-infektioner. HPV-typer associerade med tumöruppkomst kallas högrisktyper.

Svar/Tolkning/Bedömning

HPV DNA (ALLPLEX 28): EJ PÅVISAT

HPV DNA (ALLPLEX 28): PÅVISAT, Typ anges

HPV DNA (ALLPLEX 28): EJ BEDÖMBAR

Utökad HPV typning svaras enligt:

HPV DNA sekvensering: PÅVISAT, Typ anges

Metodik/mätprincip

Efter nukleinsyraextraktion av provmaterialet utförs PCR-amplifiering med hjälp av HPV-primers med förmåga att detektera ett brett spektrum av HPV hög- och låg-risk typer.

Som kontroll på att det extraherade provet innehåller tillförlitligt material utförs samtidig analys för detektion av den humana genen för betaglobin.

Referenslitteratur

Bernard HU, Burk RD, Chen Z, van Doorslaer K, Hausen H, de Villiers EM. Classification of papillomaviruses (PVs) based on 189 PV types and proposal of taxonomic amendments. Virology. 2010 May 25;401(1):70-9. 2010.

Mafi et al., Comparative evaluation of Allplex HPV28 and Anyplex II HPV28 assays for high-risk HPV genotyping in cervical samples. PLoS One. 2025 Apr 1;20(4)